

正誤表

「細胞工学別冊 次世代シーケンサー DRY 解析教本」におきまして、誤りがございました。
謹んでお詫び申し上げますとともに、以下のように訂正いたします。

学研メディカル秀潤社

P20 下から6行目	誤	HDDMI
	正	HDMI
P38 上から5行目	誤	curl -L http://gakken-mesh/dry/cmdline.tar.gz
	正	curl -L http://shujunsha.com/NGS_DAT/Lv1_2/cmdline.tar.gz
P304 上から 21～23行目 枠の位置	誤	<pre>くていいよ]とのこと. あっさり解決. Rでやってみたことは恥ずかしいので内緒に(▽*). 誌面は\$に直そう. \$ grep -v ^track refGene.bed > foo \$ mv foo refGene.bed</pre>
	正	<pre>くていいよ]とのこと. あっさり解決. Rでやってみたことは恥ずかしいので内緒に(▽*). 誌面は\$に直そう. \$ grep -v ^track refGene.bed > foo \$ mv foo refGene.bed</pre>

正誤表

「細胞工学別冊 次世代シーケンサー DRY 解析教本」におきまして、下記コマンドではファイルをダウンロードできませんでした。謹んでお詫び申し上げます。

```
$ wget -r -np http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens
```

読者の皆様には、お手数をおかけして恐縮ではございますが、以下のコマンドで、該当ファイルを一つずつダウンロードしてご対応いただけますよう、お願い申し上げます。

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Annotation/Archives/archive-2014-06-02-13-47-29/Genes/genes.gtf
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.1.bt2
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.2.bt2
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.3.bt2
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.4.bt2
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.fa
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.rev.1.bt2
```

```
$ wget -r -np  
http://shujunsha.com/NGS\_DAT/Lv2\_2/iGenome/Homo\_sapiens/NCBI/build37.2/Sequence/Bowtie2Index/genome.rev.2.bt2
```